

Gene Expression Analysis, RNA, Protein Analysis,
Single Cell Gene Expression Analysis, miRGE™ Analysis,
Copy Number Variation Analysis, lncRNAs Expression Analysis,
ChIP-String Expression Analysis

Presentazione dello Strumento

martedì 19 gennaio 2016

9.00 – 11.30

Università degli Studi di Catania

Dipartimento di Scienze Biomediche e Biotecnologiche

Torre Biologica, Torre Nord, piano primo, via S. Sofia 97

Catania

Meet nCounter **SPRINT™**

